Caracterización del morfoespacio y señal filogenética de la sardinita mexicana *Astyanax mexicanus* (Actinopterygii; Characidae) en ambientes contrastantes.

Jorge Hernandez Lozano^{1,2} y Claudia Patricia Ornelas García¹

1.- Posgrado en Ciencias del Mar y Limnología, Universidad Nacional Autónoma de México.

2.-Departamento de Zoología, Instituto de Biología, Universidad Autónoma de México Tercer Circuito Exterior S/N. CP 04510, Ciudad de México, México.

Introducción

La sardinita mexicana, *Astyanax mexicanus*, es un organismo modelo en biología evolutiva, debido a que dentro de la especie encontramos dos morfotipos divergentes: la forma de superficie y la forma troglobia. La forma troglobia ha sido reportada en al menos 32 cuevas distintas entre San Luis Potosí y Tamaulipas, sin embargo, estudios genéticos recientes sugieren que podrían haberse originado en al menos dos episodios distintos, correspondientes con el linaje viejo y linaje nuevo. A fin de entender los patrones de evolución morfológica en la especie, es necesario caracterizar aquellos rasgos que han surgido de forma independiente entre linajes cercanamente relacionados, cuando son expuestos a presiones selectivas similares (e.g. cuevas), así como aquellos que podrían ser el resultado de la historia evolutiva del grupo (e.g. inercia filogenética).

Fig. 1 Los dos morfotipos de *Astyanax*. A la izquierda en morfotipo "Troglobia", a la derecha el morfotipo "Superficie".

Métodos

Fig. 2 Colocación de los landmarks para los análisis de: A) Landmarks homólogos (2) y pseudolandmarks(50) utilizados para la MG de la premaxila. B) Landmarks homólogos (12) y pseudolandmarks(15) utilizados para la MG del cuerpo y C) Landmarks homólogos (14) y pseudolandmarks(16) utilizados para la MG de la cabeza.

Resultados: Diversidad Morfológica

Fig. 3 Análisis de Relative Warps para la morfometría geométrica de la forma de: A) La premaxila, B) La forma del cuerpo y C) la forma de la cabeza.

Resultados: Modularidad

Tabla 4 Resumen de los análisis de modularidad. Valor de p > 0.05

Complejo <i>Astyanax</i>	CR	Intervalo menor	Intervalo mayor	P
HM1	0.901	0.873	0.938	0.024
HM2	0.936	0.862	0.963	0.033
HM3	1	0.867	1.039	0.109
HM4	0.822	0.784	0.915	0.001

Fig. 4 Las 4 hipótesis distintas utilizadas para los análisis.

Tabla 1 Resumen del MANCOVA de la forma de la premaxila

Premaxila	GL	Valor de p
Morfotipo	2	< 0.001
Linaje	1	< 0.001
Log del C.	1	< 0.001
Morf*Lin	2	< 0.001
Morf*LogC	2	0.141
Lin*LogC	1	0.555

Tabla 2 Resumen del MANCOVA de la forma del cuerpo

Cuerpo	GL	Valor de p
Morfotipo	2	< 0.001
Linaje	1	< 0.001
Log del C.	1	< 0.05
Morf*Lin	2	< 0.001
Morf*LogC	2	0.162
Lin*LogC	1	0.255

Tabla 3 Resumen del MANCOVA de la forma de la cabeza

Cabeza	GL	Valor de p
Morfotipo	2	< 0.001
Linaje	1	0.724
Log del C.	1	0.516
Morf*Lin	2	0.098
Morf*LogC	2	0.357
Lin*LogC	1	0.757

Resultados: Señal filogenética.

Fig. 5 Filogenia del complejo *Astyanax*, obtenida mediante RADSeq y genomas completos. Modificada de Garduño-Sánchez

Fig. 6 Filomorfoespacio de la forma del cuerpo (izquierda) y la premaxila (derecha) con la filogenia de Garduño-Sánchez.

Conclusiones

- ❖ Encontramos un patrón de evolución en paralelo en la forma de la premaxila, la forma del cuerpo y la forma de la cabeza para las diferentes poblaciones y linajes de cueva vs. su ancestro de superficie.
- ❖ Encontramos patrones de evolución modular en 3 de las 4 hipótesis propuestas.
- ❖ Finalmente, no encontramos señal filogenética en la forma del cuerpo, pero, si para la forma de la premaxila.
- ❖ La variación morfológica se da como una respuesta a su medio, ya que las poblaciones troglóbicas generan una forma de cueva que los distingue de su ancestro de superficie. Pero, los resultados también indican que a mayor tiempo pase una población en la cueva, esta puede presentar un mayor grado de divergencia morfológica.

Bibliografía Destacada

-Elliott, W. R. (2016). Cave exploration and mapping in the Sierra de El Abra Region. *Biology and evolution of the Mexican cavefish*, 9-40. -Jeffery, W. R. (2009). Regressive evolution in *Astyanax* cavefish. *Annual review of genetics*, 43, 25-47. -Garita-Alvarado, C. A., Barluenga, M. & Ornelas-García, C. P. (2018) Parallel evolution of morphs of *Astyanax* species Teleostei: Characidae) in México and Central America. *Biological Journal of the Linnean Society* Vol 20:1-12. -Ornelas-García, C. P., Domínguez-Domínguez, O., & Doadrio, I. (2008). Evolutionary history of the fish genus *Astyanax* Baird & Girard (1854)(Actinopterygii, Characidae) in Mesoamerica reveals multiple morphological homoplasies. *BMC evolutionary biology*, 8(1), 340. I Review of Genetics. Strecker, U., Faundez, V. H., & Wilkens, H. (2004) Phylogeography of Surface and cave *Astyanax* (Teleostei) from Central and North America based on cytochrome b sequence data. *Molecular Phylogenetic and Evolution*, 33(2):469-481